

Typningstabel suggestion 27-07-2022

Rød skrift: nyt siden sidst



Version: 25-07-2022

Rapporteret variantbeskrivelse	Skærpet indsats for at forhindre videre smitte (1)	Mulig biologisk funktion af varianten	Officielt navn	Den første dokumenterede prøve kom fra	69_70del (21765-21770)	K417N (G22813T)	L452L (WT) T22917 (WT)	L452R (WT) T22917G	N501Y A23063T	H655Y C23525T
Forenelig med B.1.1.529	Nej, alle varianter smitteopspores ens	Øget smitte	Omicron	Sydafrika	+/-	Testet positiv for mindst en af disse mutationer				
Forenelig med B.1.1.529 (BA.4 eller BA.5)		Øget smitte	Omicron	Sydafrika	+	+	-	+	+	+
Forenelig med B.1.1.529 (BA.4 eller BA.5)		Øget smitte	Omicron	Sydafrika	2	2	2	+	2	2
Forenelig med B.1.1.529		Øget smitte	Omicron	Sydafrika	2	2	+	2	2	2
Forenelig med B.1.1.529		Øget smitte	Omicron	Sydafrika	2	2	2	2	+	2
Forenelig med B.1.1.529		Øget smitte	Omicron	Sydafrika	2	2	2	2	2	+
Forenelig med B.1.1.529		Øget smitte	Omicron	Sydafrika	Kombinationer af ovenstående, der er forenelig med B.1.1.529					
Normal subtype					-	-	-	-	-	-
Inkonklusiv	Inkonklusiv				3	3	3	3	3	3

Replace earlier interpretations

Replace earlier interpretations

Legend:

+: Påvist.

-: Ikke påvist.

1: Udover hvad der allerede gøres for varianter.

2: Ikke testet

3: Kan ikke bestemmes.Gen-analyseres med variant PCR og/eller WGS.

Såfremt der foreligger WGS resultater, kan mutationerne under fanen WGS typning anvendes til at identificere om der er tale om Omikron.

Det skal sikres lokalt at primere og prober i de anvendte assay's virker. Dvs. de binder ikke til områder med mutationer i Omikron sekvenser, der kan påvirke sensitivitet og specificitet.

Det skal derudover sikres lokalt, at variant PCR entydigt kan skelne mellem forskellige mutationer (f.eks. L452R og L452Q)

Anvendes ikke af SSI, og evt. anvendelse må afhænge af lokale vurderinger



WGS typning:

<https://www.ecdc.europa.eu/sites/default/files/documents/Implications-emergence-spread-SARS-CoV-2%20B.1.1.529-variant-concern-Omicron-for-the-EU-EEA-Nov2021.pdf>

(A67V, Δ69-70, T95I, G142D, Δ143-145, Δ211, L212I, ins214EPE, G339D, S371L, S373P, S375F, K417N, N440K, G446S, S477N, T478K, E484A, Q493K, G496S, Q498R, N501Y, Y505H, T547K, D614G, H655Y, N679K, P681H, N764K, D796Y, N856K, Q954H, N969K, L981F). Out of these changes, 15 are located in the receptor binding domain (RBD) (residues 319-541). The variant also carries a number of changes and deletions in other genomic regions (NSP3 – K38R, V1069I, Δ1265, L1266I, A1892T; NSP4 – T492I; NSP5 – P132H; NSP6 – Δ105-107, A189V; NSP12 – P323L; NSP14 – I42V; E – T9I; M – D3G, Q19E, A63T; N – P13L, Δ31-33, R203K, G204R).

Se derudover (Spike) mutationsprofilen for de forskellige Omicron varianter (pt. 25-07-2022):

<https://outbreak.info/compare-lineages?pango=Omicron&gene=S&threshold=75&nthresh=1&sub=true&dark=false>